

NČLP klíč (PCR) →								52650/52882	52653	50793	50813	51356	51350	50791	52636	53318	50797	52662	52659	50799	51348	50789
NČLP klíč (SEQS) →		50805		viz 51360	viz 50803	viz 51360		52651/52883	52654	51389	51393	51412	51415	51379	52637	53319	51398	52663	52660	51403	51404	51378
varianta - původ - první detekce	Detekce v ČR	NČLP klíč (SEQ) MTV=GTYP COV ↓ GTYP COV	WHO	Pangolin lineage	Nextstrain	ECDC/CDC klasifikace	S371L/F	S373P	K417N	L452R	S477N	T478K	E484K	E484A	E486V	N501Y	Y505H	T547K	P681H	P681R	del 69,70	
JAR	ano	B11529	Omicron	B.1.1.529	21.K	VOC	L	+	+		+	+		+		+	+	+	+		+	
	ano	BA.1	Omicron	BA.1	21.K	VOC	L	+	+		+	+		+		+	+	+	+		+	
	ano	BA.2	Omicron	BA.2	21.L	VOC		+	+		+	+		+		+	+		+		+	
	ano	BA.2.75	Omicron	BA.2.75	22D	VOC		+	+		+	+		+		+	+		+		+	
	ano	BA.4	Omicron	BA.4	22A	VOC		+	+	+	+	+		+	+	+	+		+		+	
	ano	BA.5	Omicron	BA.5	22D	VOC		+	+	+	+	+		+	+	+	+		+		+	
Tanzanie		AVOIV2			A.VOI.V2															+		

trans - zvýšení transmisibility

esc - únik před tlakem protilátek

další mutace v individuálních listech

D614G - obdoba Q613H

alerní mutace

N terminální doména - vazba

protilátek

blízko furinového štěpného místa - ovlivnění vazby na receptor

dle jedné práce zvýšení patogenity

receptor binding doména

INS = inzerce

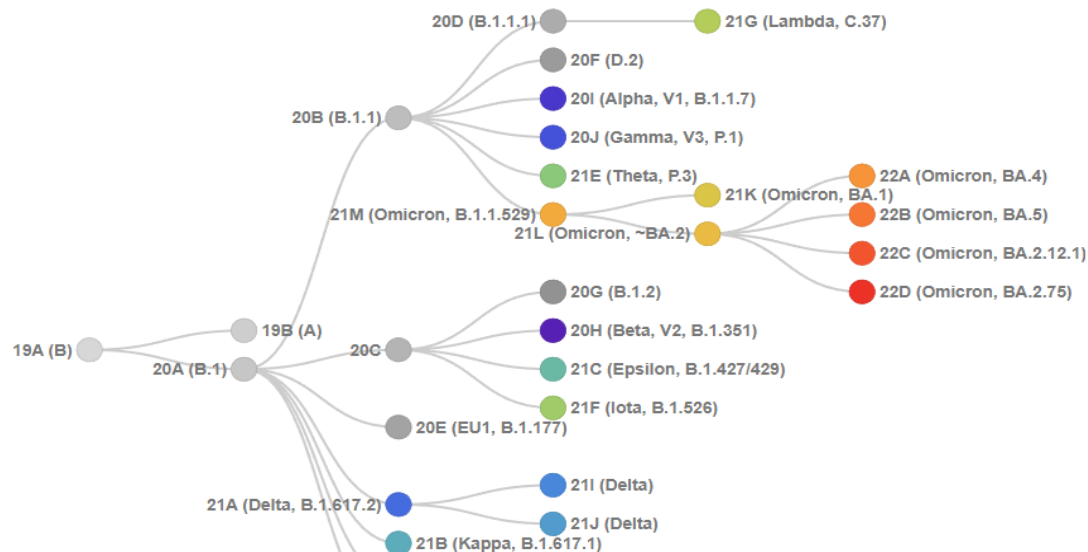
usnadnění vazby na ACE2, všechny B a vyšší varianty D614G obsahují

spike mutation of interest

DEV De-escalated variants

(1) the variant is no longer circulating, (2) the variant has been circulating for a long time without any impact on the overall epidemiological situation, (3) scientific evidence demonstrates that the variant is not associated with any concerning properties.

can descend from other variants. Here's a chart to show the overall relationships of Nextstrain clades.





Phylogenetic relationships of Nextstrain SARS-CoV-2 clades ([source](#)). Please credit/link to [Nextstrain](#) if using this figure.